

Titel

Thema:	Biodiversitätsforschung im Molekularlabor des Museums der Natur
Veranstaltungsnummer:	2213B2201

Inhalt/Beschreibung

Beschreibung und didaktische Gestaltung:	<p>Das Molekularlabor des Museums der Natur (Leibniz-Institut zur Analyse des Biodiversitätswandels, LIB) ist ein Ort moderner Biodiversitätsforschung. Hier werden Fragestellungen aus den folgenden Bereichen der Molekulargenetik beantwortet</p> <ul style="list-style-type: none">- Bestimmung der Artzugehörigkeit- Phylogenetik, also stammesgeschichtliche Verhältnisse- Historische Biogeographie- Populationsgenetik und Naturschutzgenetik <p>Die Teilnehmerinnen und Teilnehmer der Fortbildung erhalten eine exklusive Führung durch die Räumlichkeiten des Labors. Dabei stellen wir Geräte, Materialien und Arbeitsabläufe vor. Explizit zeigen und erklären wir verschiedene moderne Sequenziermethoden wie ddRAD, targeted capture, und Kompletengenomamplifikation und -sequenzierung. Einen Schwerpunkt legen wir dabei auf die Auswertung von historischem Material aus den umfangreichen Beständen der zoologischen Sammlungen des LIB, die besondere Herausforderungen mit sich bringt.</p>
Schwerpunkte/Rubrik:	Qualitätsentwicklung

Allgemeine Informationen

Fächer / Berufsfelder:	- Biologie
Zielgruppen:	- Fachlehrkräfte
Schularten:	- Gymnasium - Sekundarstufe II
Veranstaltungsart:	Workshop
Gültigkeitsbereich:	Hamburg
Leitung:	Lars Janning, Landesinstitut für Lehrerbildung und Schulentwicklung
Dozenten:	Lars Janning, Landesinstitut für Lehrerbildung und Schulentwicklung

Weitere Hinweise

Hinweis für Teilnehmer/innen:	Treffpunkt: Eingang Zoologisches Museum, Bundesstraße 52, 20146 Hamburg
Zusatzinformationen:	<p>Das Molekularlabor des Museums der Natur (Leibniz-Institut zur Analyse des Biodiversitätswandels, LIB) ist ein Ort moderner Biodiversitätsforschung. Hier werden Fragestellungen aus den folgenden Bereichen der Molekulargenetik beantwortet</p> <ul style="list-style-type: none">- Bestimmung der Artzugehörigkeit- Phylogenetik, also stammesgeschichtliche Verhältnisse- Historische Biogeographie- Populationsgenetik und Naturschutzgenetik

Die Teilnehmerinnen und Teilnehmer der Fortbildung erhalten eine exklusive Führung durch die Räumlichkeiten des Labors. Dabei stellen wir Geräte, Materialien und Arbeitsabläufe vor. Explizit zeigen und erklären wir verschiedene moderne Sequenziermethoden wie ddRAD, targeted capture, und Kompletengenomamplifikation und -sequenzierung. Einen Schwerpunkt legen wir dabei auf die Auswertung von historischem Material aus den umfangreichen Beständen der zoologischen Sammlungen des LIB, die besondere Herausforderungen mit sich bringt.

Anbieter

Anbietername:	Landesinstitut für Lehrerbildung und Schulentwicklung
Anbieteranschrift:	Felix-Dahn-Straße 3 und Weidenstieg 29, 20357 Hamburg
E-Mail-Adresse:	tis@li-hamburg.de

Termin

Termin:	27.10.2022 16:00 bis 19:00 Uhr
Dauer:	3 Zeitstunden

Veranstaltungsort

Veranstaltungsort:	Zoologische Museum, Bundesstraße 52, 20146 Hamburg
--------------------	--